

L'université de Bourgogne recrute :

Un(e) ingénieur(e) de recherche en biostatistique / bioinformatique

Contexte et missions

Le candidat recruté par l'Université de Bourgogne travaillera de façon mutualisée pour la plateforme de lipidomique LAP (Lipidomic Analytical Platform) et la plateforme de protéomique CLIPP (CLinical Innovation Proteomic Platform). L'ingénieur (h/f) recruté(e) aura à la fois une mission de conseil statistique en amont des expériences, de traitement statistique et bioinformatique des données générées et d'aide à l'interprétation des résultats. Sa mission inclura également une activité de développement d'outils statistiques mis à disposition des ingénieur(e)s/technicien(ne)s des deux plateformes.

Activités principales

- Participer aux montages de plans d'expériences en apportant des conseils méthodologiques (calcul de puissance de tests statistiques ...) et aide à l'interprétation mathématique des résultats
- Réaliser des analyses statistiques et bioinformatiques de données de grande dimension pour répondre à différentes questions biologiques définies par les partenaires : analyse différentielle, méthodes de prédiction, méthodes de description des données
- Produire des rapports pour présenter les résultats et en garantir la qualité
- Développer, optimiser et valider des procédures de traitement de données issues d'analyses non ciblées et générées par les spectromètres de masse à haute résolution des deux plateformes
- Mettre en place des procédures standardisées de contrôle qualité, de normalisation et de mise en relation avec les bases de données biologiques publiques disponibles
- Assurer le support et la formation aux outils développés pour l'analyse de données

Activités associées

- Appliquer de nouveaux outils pour la recherche dans les banques de données
- Développer de nouveaux outils statistiques nécessaires à l'intégration des données avec les autres bases de données (génomique, transcriptomique, métabolomique)
- Assurer la veille scientifique et technologique en bioinformatique et biostatistique
- Participer à la valorisation et la communication des savoir-faire des plateformes au travers de nouveaux contacts, présentation à des congrès et rédaction de publications

Compétences principales

- Connaissances théoriques et pratiques des outils bioinformatiques existants liés au traitement des données de protéomique et de lipidomique
- Maîtrise des différents tests statistiques usuels d'analyse différentielle et des méthodes dédiées à l'analyse des données de grandes dimensions, incluant approches supervisées et non supervisées
- Maîtrise du langage R exigée
- Connaissance d'autres langages de programmation (C ou C++, perl,..) souhaitée

- Esprit d'équipe et d'initiative, adaptabilité, rigueur, organisation et autonomie
- Sens du contact pour un travail d'interface entre équipes multidisciplinaires
- Aptitude à la présentation synthétique et didactique des résultats scientifiques
- Anglais écrit et parlé

Formation

- Diplôme d'Ingénieur ou Master II en bioinformatiques, statistiques appliquées ou biostatistiques

Contacts

Jean Paul Pais de Barros jppais@u-bourgogne.fr 03.80.39.33.42

Pauline Maes Pauline.maes@u-bourgogne.fr 03.80.39.66.53

Rémunération : brut mensuelle 2174 euros ; net 1747 euros (3^{ème} échelon ingénieur de recherche)

Contrat : CDD de 12 mois, renouvelable

POSTE OUVERT AUX PERSONNES VALIDES OU EN SITUATION DE HANDICAP

Les candidatures, qui comporteront une lettre de motivation et un Curriculum Vitae, sont à adresser **PAR MAIL UNIQUEMENT** (lettre et CV dans un unique dossier) en précisant clairement l'intitulé de l'offre ou sa référence Pôle Emploi dans le sujet du mail

à

Catherine.pagot@u-bourgogne.fr

Date limite de réception des candidatures : vendredi 4 mai 2018

Les candidats retenus pour un entretien seront convoqués par mail exclusivement ; en cas de non réponse dans un délai de six semaines, merci de considérer que votre candidature n'est pas retenue mais sera conservée pour une durée de six mois.